wwPDB NMR Structure Validation Summary Report (i)

Jun 5, 2023 – 02:40 PM JST

PDB ID	:	5Z36
BMRB ID	:	36151
Title	:	An anthrahydroquino-Gama-pyrone synthase Txn09 complexed with PDM
Authors	:	Song, Y.J.; Cao, C.Y.
Deposited on	:	2018-01-05

This is a wwPDB NMR Structure Validation Summary Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at *validation@mail.wwpdb.org*
A user guide is available at
https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp
with specific help available everywhere you see the (i) symbol.

The types of validation reports are described at
http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types.

The following versions of software and data (see references (i)) were used in the production of this report:

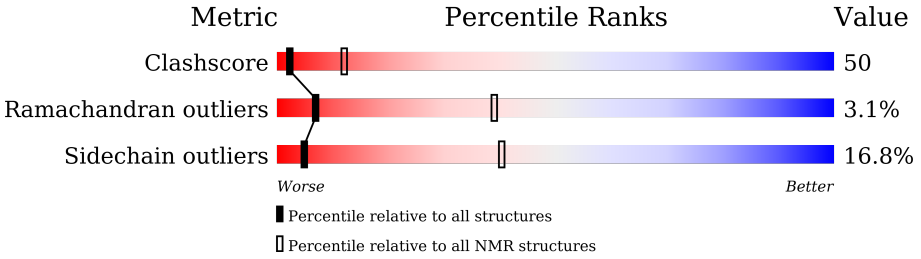
MolProbity	:	4.02b-467
Mogul	:	1.8.5 (274361), CSD as541be (2020)
buster-report	:	1.1.7 (2018)
Percentile statistics	:	20191225.v01 (using entries in the PDB archive December 25th 2019)
wwPDB-RCI	:	v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV	:	Wang et al. (2010)
wwPDB-ShiftChecker	:	v1.2
BMRB Restraints Analysis	:	v1.2
Ideal geometry (proteins)	:	Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA)	:	Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP)	:	2.33

1 Overall quality at a glance (i)

The following experimental techniques were used to determine the structure:
SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment is 86%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	158937	12864
Ramachandran outliers	154571	11451
Sidechain outliers	154315	11428

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for >=3, 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions <=5%

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	154	23% 44% 8% • 24%

2 Ensemble composition and analysis (i)

This entry contains 20 models. Model 18 is the overall representative, medoid model (most similar to other models). The authors have identified model 1 as representative, based on the following criterion: *lowest energy*.

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	**Residue range (total)**	**Backbone RMSD (Å)**	**Medoid model**
1	A:2-A:31, A:45-A:76, A:80-A:91, A:99-A:110, A:114-A:127, A:131-A:139, A:147-A:154 (117)	0.44	18

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 3 clusters and 2 single-model clusters were found.

Cluster number	Models
1	2, 4, 6, 7, 8, 10, 11, 12, 13, 14, 18, 19, 20
2	5, 9, 16
3	1, 17
Single-model clusters	3; 15

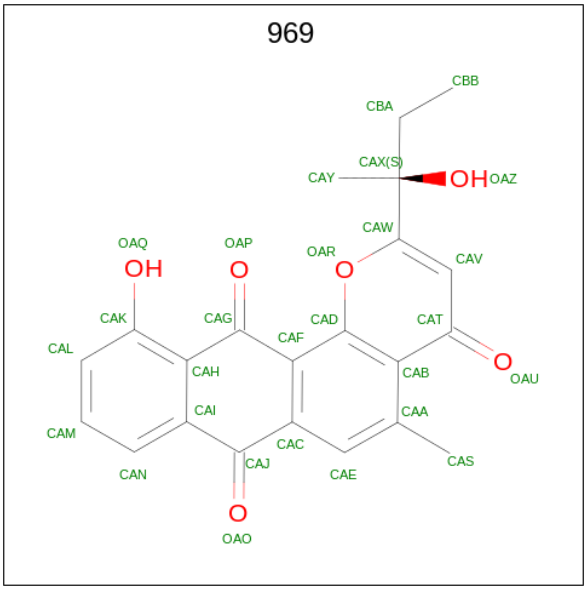
3 Entry composition (i)

There are 2 unique types of molecules in this entry. The entry contains 2461 atoms, of which 1197 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called TxnO9.

Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
			Total	C	H	N	O	S	
1	A	154	2415	789	1179	220	224	3	0

- Molecule 2 is 11-hydroxy-2-[(2S)-2-hydroxybutan-2-yl]-5-methyl-4H-anthra[1,2-b]pyran-4,7,12-trione (three-letter code: 969) (formula: $C_{22}H_{18}O_6$).



Mol	Chain	Residues	Atoms			
			Total	C	H	O
2	A	1	46	22	18	6

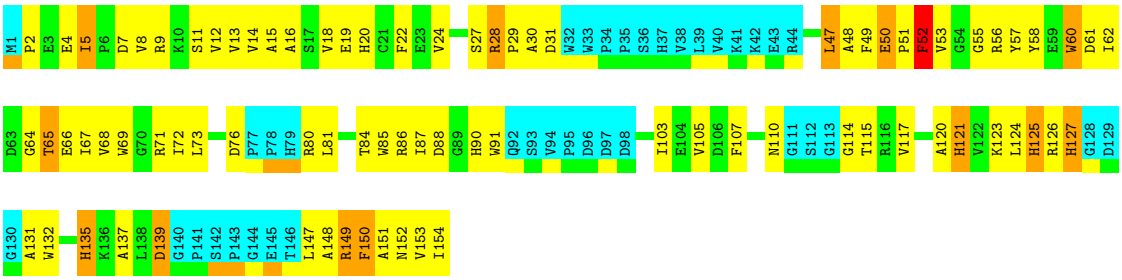
4 Residue-property plots (i)

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

- Molecule 1: TxnO9

Chain A: 23% 44% 8% • 24%

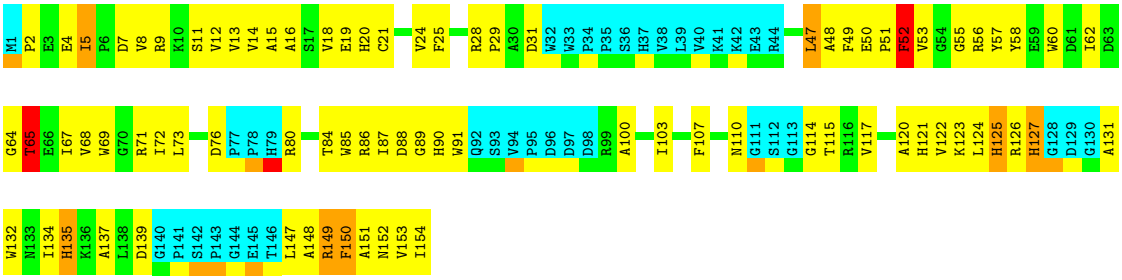


4.2 Residue scores for the representative (medoid) model from the NMR ensemble

The representative model is number 18. Colouring as in section 4.1 above.

- Molecule 1: TxnO9

Chain A: 23% 47% 5% • 24%



5 Refinement protocol and experimental data overview (i)

The models were refined using the following method: *simulated annealing*.

Of the 100 calculated structures, 20 were deposited, based on the following criterion: *structures with the least restraint violations*.

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
CNS	refinement	
X-PLOR NIH	structure calculation	

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	working_cs.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	1699
Number of shifts mapped to atoms	1699
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Assignment completeness (well-defined parts)	86%

6 Model quality (i)

6.1 Standard geometry (i)

Bond lengths and bond angles in the following residue types are not validated in this section: 969

There are no covalent bond-length or bond-angle outliers.

There are no bond-length outliers.

There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

6.2 Too-close contacts (i)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	959	925	919	94±8
2	A	28	18	0	3±1
All	All	19740	18860	18380	1921

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 50.

5 of 344 unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:85:TRP:NE1	1:A:103:ILE:HD11	0.94	1.77	15	1
1:A:47:LEU:HD12	1:A:47:LEU:N	0.88	1.84	3	18
1:A:62:ILE:HD12	1:A:63:ASP:N	0.88	1.82	6	6
1:A:127:HIS:CE1	1:A:131:ALA:HB2	0.87	2.03	15	1
1:A:85:TRP:CE2	1:A:103:ILE:HD11	0.83	2.09	15	1

6.3 Torsion angles (i)

6.3.1 Protein backbone (i)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles
1	A	116/154 (75%)	109±1 (94±1%)	3±1 (3±1%)	4±1 (3±1%)	7 39
All	All	2320/3080 (75%)	2184 (94%)	64 (3%)	72 (3%)	7 39

All 5 unique Ramachandran outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	52	PHE	20
1	A	65	THR	20
1	A	125	HIS	19
1	A	139	ASP	11
1	A	28	ARG	2

6.3.2 Protein sidechains (i)

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles
1	A	98/129 (76%)	82±2 (83±2%)	16±2 (17±2%)	5 40
All	All	1960/2580 (76%)	1631 (83%)	329 (17%)	5 40

5 of 34 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	5	ILE	20
1	A	52	PHE	20
1	A	60	TRP	20
1	A	90	HIS	20
1	A	127	HIS	20

6.3.3 RNA (i)

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains (i)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates (i)

There are no monosaccharides in this entry.

6.6 Ligand geometry (i)

1 ligand is modelled in this entry.

In the following table, the Counts columns list the number of bonds for which Mogul statistics could be retrieved, the number of bonds that are observed in the model and the number of bonds that are defined in the chemical component dictionary. The Link column lists molecule types, if any, to which the group is linked. The Z score for a bond length is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length with $|Z| > 2$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the average root-mean-square of all Z scores of the bond lengths.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond lengths		
					Counts	RMSZ	#Z>2
2	969	A	201	-	29,31,31	2.01±0.00	7±0 (24±0%)

In the following table, the Counts columns list the number of angles for which Mogul statistics could be retrieved, the number of angles that are observed in the model and the number of angles that are defined in the chemical component dictionary. The Link column lists molecule types, if any, to which the group is linked. The Z score for a bond angle is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond angle with $|Z| > 2$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the average root-mean-square of all Z scores of the bond angles.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Bond angles		
					Counts	RMSZ	#Z>2
2	969	A	201	-	41,49,49	0.81±0.02	1±0 (2±0%)

In the following table, the Chirals column lists the number of chiral outliers, the number of chiral centers analysed, the number of these observed in the model and the number defined in the chemical component dictionary. Similar counts are reported in the Torsion and Rings columns. '-' means

no outliers of that kind were identified.

Mol	Type	Chain	Res	Link	Chirals	Torsions	Rings
2	969	A	201	-	-	0±0,3,25,25	0±0,4,4,4

5 of 7 unique bond outliers are listed below. They are sorted according to the Z-score of the worst occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)	Models	
								Worst	Total
2	A	201	969	CAS-CAA	5.82	1.39	1.51	8	20
2	A	201	969	CAC-CAJ	4.34	1.39	1.48	2	20
2	A	201	969	CAI-CAJ	4.33	1.39	1.48	16	20
2	A	201	969	CAH-CAG	3.50	1.39	1.47	10	20
2	A	201	969	CAF-CAG	3.48	1.39	1.47	11	20

All unique angle outliers are listed below.

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(^{o})	Ideal(^{o})	Models	
								Worst	Total
2	A	201	969	OAQ-CAK-CAH	2.67	116.14	121.14	10	20

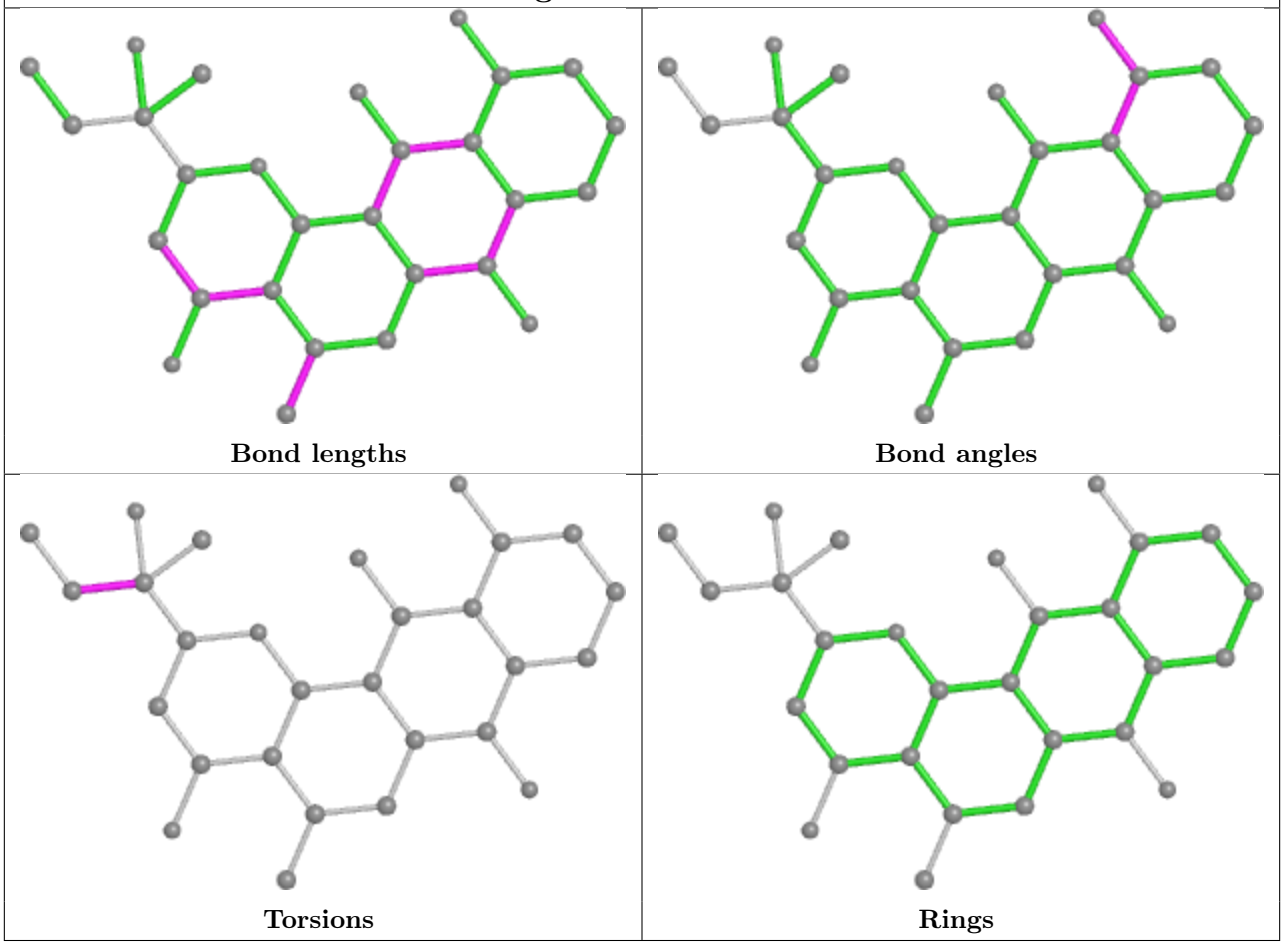
There are no chirality outliers.

There are no torsion outliers.

There are no ring outliers.

The following is a two-dimensional graphical depiction of Mogul quality analysis of bond lengths, bond angles, torsion angles, and ring geometry for all instances of the Ligand of Interest. In addition, ligands with molecular weight > 250 and outliers as shown on the validation Tables will also be included. For torsion angles, if less then 5% of the Mogul distribution of torsion angles is within 10 degrees of the torsion angle in question, then that torsion angle is considered an outlier. Any bond that is central to one or more torsion angles identified as an outlier by Mogul will be highlighted in the graph. For rings, the root-mean-square deviation (RMSD) between the ring in question and similar rings identified by Mogul is calculated over all ring torsion angles. If the average RMSD is greater than 60 degrees and the minimal RMSD between the ring in question and any Mogul-identified rings is also greater than 60 degrees, then that ring is considered an outlier. The outliers are highlighted in purple. The color gray indicates Mogul did not find sufficient equivalents in the CSD to analyse the geometry.

Ligand 969 A 201



6.7 Other polymers (i)

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues (i)

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation (i)

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 86% for the well-defined parts and 81% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: working_cs.cif

Chemical shift list name: *txn38-pdm-20180109-shifts-upload.txt*

7.1.1 Bookkeeping (i)

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	1699
Number of shifts mapped to atoms	1699
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Number of shift outliers (ShiftChecker)	21

7.1.2 Chemical shift referencing (i)

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction ± precision, *ppm*	Suggested action
$^{13}C_{\alpha}$	146	0.03 ± 0.14	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}C_{\beta}$	130	-0.14 ± 0.15	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}C'$	132	0.14 ± 0.12	None needed (< 0.5 ppm)
^{15}N	136	0.84 ± 0.18	Should be applied

7.1.3 Completeness of resonance assignments (i)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 86%, i.e. 1424 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 1656. 0 out of 20 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^{1}H	^{13}C	^{15}N
Backbone	574/582 (99%)	235/236 (100%)	227/234 (97%)	112/112 (100%)
Sidechain	703/876 (80%)	489/571 (86%)	212/269 (79%)	2/36 (6%)

Continued on next page...

Continued from previous page...

	Total	^{1}H	^{13}C	^{15}N
Aromatic	147/198 (74%)	77/98 (79%)	67/82 (82%)	3/18 (17%)
Overall	1424/1656 (86%)	801/905 (89%)	506/585 (86%)	117/166 (70%)

7.1.4 Statistically unusual chemical shifts (i)

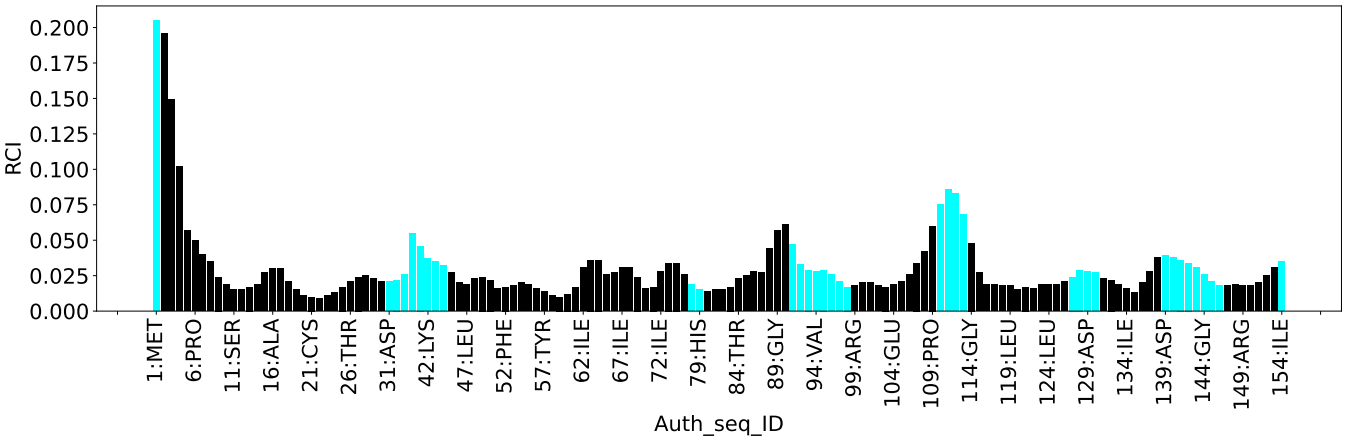
The following table lists the statistically unusual chemical shifts. These are statistical measures, and large deviations from the mean do not necessarily imply incorrect assignments. Molecules containing paramagnetic centres or hemes are expected to give rise to anomalous chemical shifts.

List Id	Chain	Res	Type	Atom	Shift, *ppm*	Expected range, *ppm*	Z-score
1	A	57	TYR	CD1	109.44	125.84 – 139.60	-16.9
1	A	57	TYR	CD2	109.44	125.28 – 140.14	-15.7
1	A	52	PHE	CZ	108.01	121.82 – 136.66	-14.3
1	A	91	TRP	CH2	107.94	116.19 – 131.43	-10.4
1	A	121	HIS	HD2	10.91	4.65 – 9.35	8.3
1	A	69	TRP	CD1	112.60	117.34 – 135.80	-7.6
1	A	91	TRP	CE3	108.52	111.58 – 129.41	-6.7
1	A	102	GLU	CG	44.02	30.20 – 42.01	6.7
1	A	60	TRP	CE3	109.22	111.58 – 129.41	-6.3
1	A	51	PRO	HA	2.38	2.78 – 6.00	-6.2
1	A	32	TRP	CZ2	123.05	107.20 – 121.33	6.2
1	A	32	TRP	CE3	109.43	111.58 – 129.41	-6.2
1	A	33	TRP	CD1	115.45	117.34 – 135.80	-6.0
1	A	105	VAL	HG11	-0.70	-0.48 – 2.12	-5.9
1	A	105	VAL	HG12	-0.70	-0.48 – 2.12	-5.9
1	A	105	VAL	HG13	-0.70	-0.48 – 2.12	-5.9
1	A	132	TRP	CE3	110.19	111.58 – 129.41	-5.8
1	A	91	TRP	CZ2	122.22	107.20 – 121.33	5.6
1	A	107	PHE	CE2	124.62	124.80 – 136.72	-5.2
1	A	49	PHE	CZ	121.75	121.82 – 136.66	-5.0
1	A	25	PHE	CE2	124.78	124.80 – 136.72	-5.0

7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots (i)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition.If well-defined core and ill-defined regions are not identified then it is shown as gray bars.

Random coil index (RCI) for chain A:



8 NMR restraints analysis (i)

8.1 Conformationally restricting restraints (i)

The following table provides the summary of experimentally observed NMR restraints in different categories. Restraints are classified into different categories based on the sequence separation of the atoms involved.

Description	Value
Total distance restraints	3057
Intra-residue (|i-j|=0)	1200
Sequential (|i-j|=1)	773
Medium range (|i-j|>1 and |i-j|<5)	397
Long range (|i-j|≥5)	687
Inter-chain	0
Hydrogen bond restraints	0
Disulfide bond restraints	0
Total dihedral-angle restraints	0
Number of unmapped restraints	0
Number of restraints per residue	19.9
Number of long range restraints per residue[1]	4.5

[1]Long range hydrogen bonds and disulfide bonds are counted as long range restraints while calculating the number of long range restraints per residue

8.2 Residual restraint violations (i)

This section provides the overview of the restraint violations analysis. The violations are binned as small, medium and large violations based on its absolute value. Average number of violations per model is calculated by dividing the total number of violations in each bin by the size of the ensemble.

8.2.1 Average number of distance violations per model (i)

Distance violations less than 0.1 Å are not included in the calculation.

Bins (Å)	Average number of violations per model	Max (Å)
0.1-0.2 (Small)	81.6	0.2
0.2-0.5 (Medium)	11.3	0.4
>0.5 (Large)	3.0	0.85

8.2.2 Average number of dihedral-angle violations per model (i)

Dihedral-angle violations less than 1° are not included in the calculation.There are no dihedral-angle violations

9 Distance violation analysis (i)

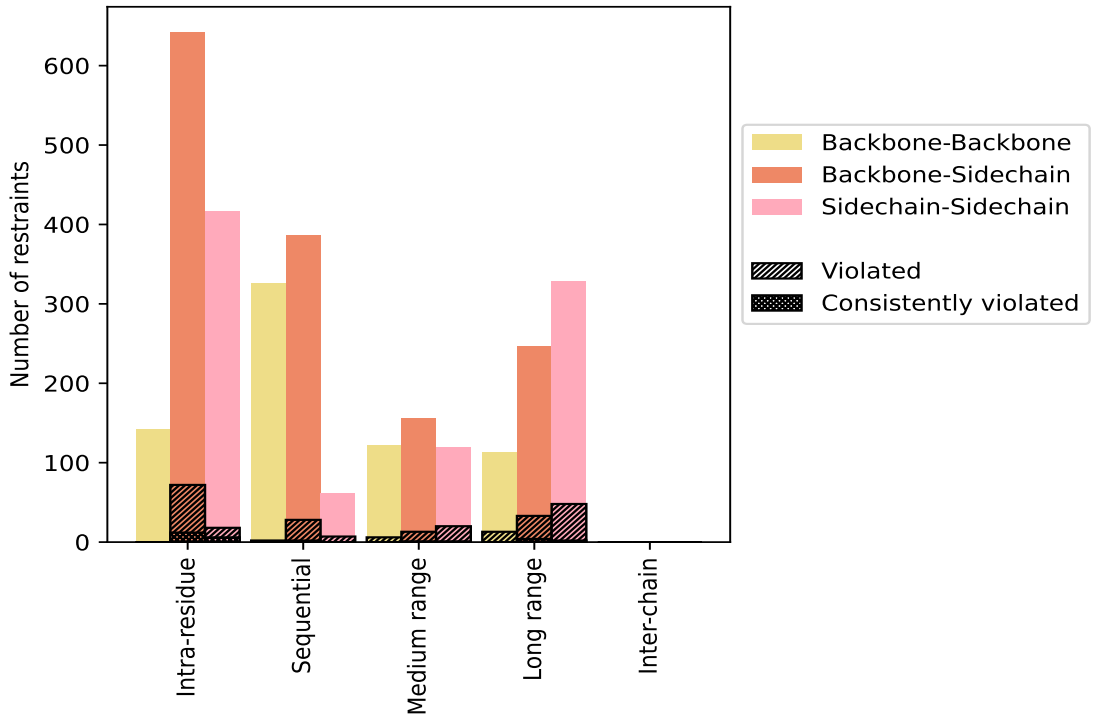
9.1 Summary of distance violations (i)

The following table shows the summary of distance violations in different restraint categories based on the sequence separation of the atoms involved. Each category is further sub-divided into three sub-categories based on the atoms involved. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Restraints type	Count	%[1]	Violated[3]			Consistently Violated[4]		
			Count	%[2]	%[1]	Count	%[2]	%[1]
Intra-residue (|i-j|=0)	1200	39.3	90	7.5	2.9	18	1.5	0.6
Backbone-Backbone	142	4.6	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	642	21.0	72	11.2	2.4	12	1.9	0.4
Sidechain-Sidechain	416	13.6	18	4.3	0.6	6	1.4	0.2
Sequential (|i-j|=1)	773	25.3	37	4.8	1.2	2	0.3	0.1
Backbone-Backbone	326	10.7	2	0.6	0.1	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	386	12.6	28	7.3	0.9	2	0.5	0.1
Sidechain-Sidechain	61	2.0	7	11.5	0.2	0	0.0	0.0
Medium range (|i-j|>1 & |i-j|<5)	397	13.0	39	9.8	1.3	2	0.5	0.1
Backbone-Backbone	122	4.0	6	4.9	0.2	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	156	5.1	13	8.3	0.4	1	0.6	0.0
Sidechain-Sidechain	119	3.9	20	16.8	0.7	1	0.8	0.0
Long range (|i-j|≥5)	687	22.5	94	13.7	3.1	6	0.9	0.2
Backbone-Backbone	113	3.7	13	11.5	0.4	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	246	8.0	33	13.4	1.1	4	1.6	0.1
Sidechain-Sidechain	328	10.7	48	14.6	1.6	2	0.6	0.1
Inter-chain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Hydrogen bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Disulfide bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Total	3057	100.0	260	8.5	8.5	28	0.9	0.9
Backbone-Backbone	703	23.0	21	3.0	0.7	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	1430	46.8	146	10.2	4.8	19	1.3	0.6
Sidechain-Sidechain	924	30.2	93	10.1	3.0	9	1.0	0.3

[1] percentage calculated with respect to the total number of distance restraints, [2] percentage calculated with respect to the number of restraints in a particular restraint category, [3] violated in at least one model, [4] violated in all the models

9.1.1 Bar chart : Distribution of distance restraints and violations (i)



Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories. The hydrogen bonds and disulfied bonds are counted in their appropriate category on the x-axis

9.2 Distance violation statistics for each model (i)

The following table provides the distance violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD[6] (Å)	Median (Å)
	IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total				
1	45	14	13	27	0	99	0.16	0.85	0.12	0.12
2	39	10	14	32	0	95	0.16	0.85	0.12	0.13
3	45	7	18	26	0	96	0.17	0.85	0.12	0.13
4	45	12	12	29	0	98	0.17	0.85	0.12	0.13
5	43	10	13	31	0	97	0.17	0.85	0.12	0.13
6	47	11	11	27	0	96	0.17	0.85	0.12	0.14
7	40	9	19	32	0	100	0.17	0.85	0.12	0.13
8	42	14	17	30	0	103	0.16	0.85	0.11	0.13
9	46	11	17	21	0	95	0.17	0.85	0.12	0.13
10	41	12	12	32	0	97	0.17	0.85	0.12	0.13
11	41	9	16	28	0	94	0.17	0.85	0.12	0.13

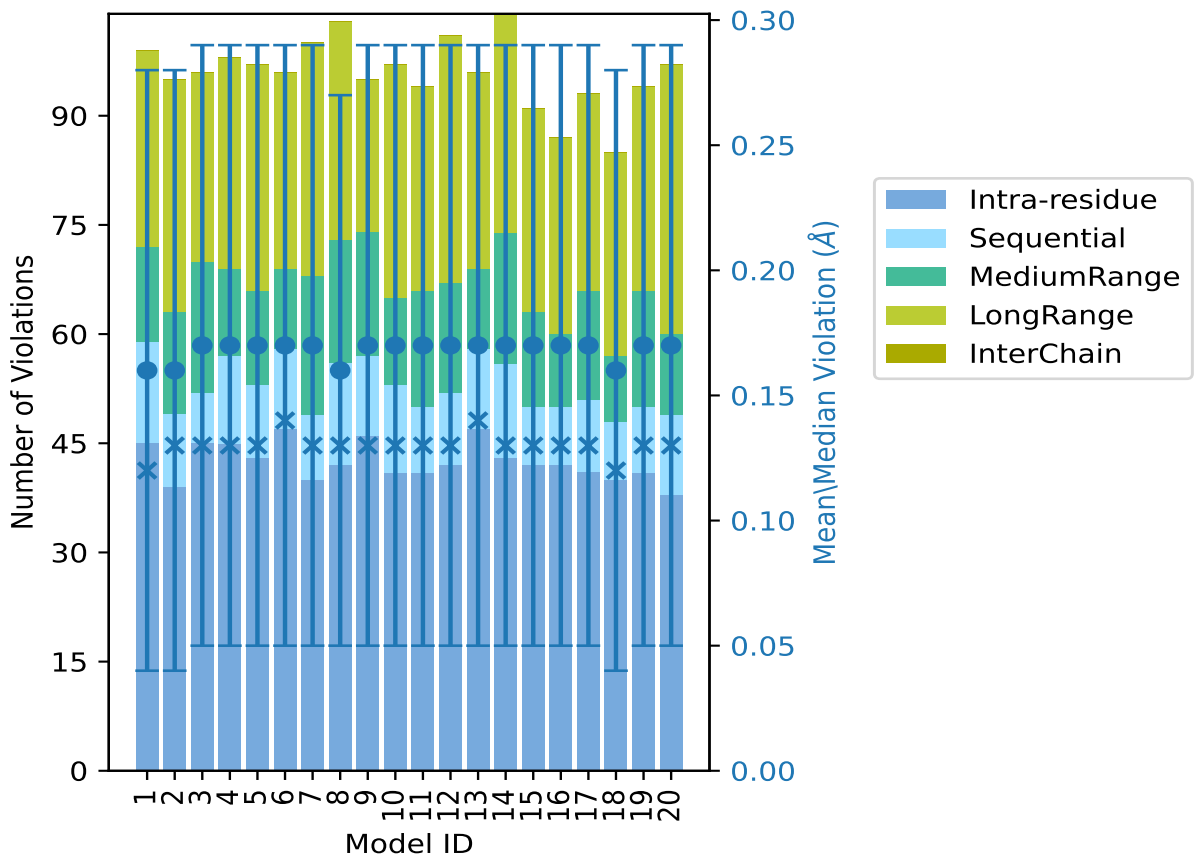
Continued on next page...

Continued from previous page...

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD[6] (Å)	Median (Å)
	IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total				
12	42	10	15	34	0	101	0.17	0.85	0.12	0.13
13	47	11	11	27	0	96	0.17	0.85	0.12	0.14
14	43	13	18	30	0	104	0.17	0.85	0.12	0.13
15	42	8	13	28	0	91	0.17	0.85	0.12	0.13
16	42	8	10	27	0	87	0.17	0.85	0.12	0.13
17	41	10	15	27	0	93	0.17	0.85	0.12	0.13
18	40	8	9	28	0	85	0.16	0.85	0.12	0.12
19	41	9	16	28	0	94	0.17	0.85	0.12	0.13
20	38	11	11	37	0	97	0.17	0.85	0.12	0.13

[1]Intra-residue restraints, [2]Sequential restraints, [3]Medium range restraints, [4]Long range restraints, [5]Inter-chain restraints, [6]Standard deviation

9.2.1 Bar graph : Distance Violation statistics for each model (i)



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

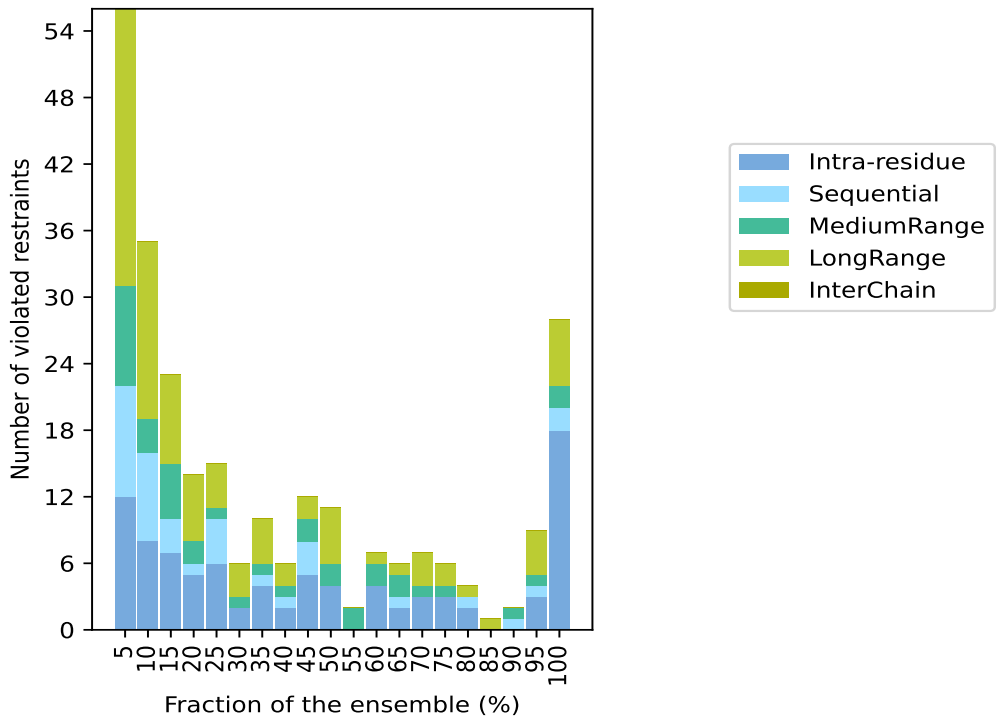
9.3 Distance violation statistics for the ensemble (i)

Violation analysis may find that some restraints are violated in few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of the ensemble. In total, 2797(IR:1110, SQ:736, MR:358, LR:593, IC:0) restraints are not violated in the ensemble.

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total	Count[6]	%
12	10	9	25	0	56	1	5.0
8	8	3	16	0	35	2	10.0
7	3	5	8	0	23	3	15.0
5	1	2	6	0	14	4	20.0
6	4	1	4	0	15	5	25.0
2	0	1	3	0	6	6	30.0
4	1	1	4	0	10	7	35.0
2	1	1	2	0	6	8	40.0
5	3	2	2	0	12	9	45.0
4	0	2	5	0	11	10	50.0
0	0	2	0	0	2	11	55.0
4	0	2	1	0	7	12	60.0
2	1	2	1	0	6	13	65.0
3	0	1	3	0	7	14	70.0
3	0	1	2	0	6	15	75.0
2	1	0	1	0	4	16	80.0
0	0	0	1	0	1	17	85.0
0	1	1	0	0	2	18	90.0
3	1	1	4	0	9	19	95.0
18	2	2	6	0	28	20	100.0

[1]Intra-residue restraints, [2]Sequential restraints, [3]Medium range restraints, [4]Long range restraints, [5]Inter-chain restraints, [6] Number of models with violations

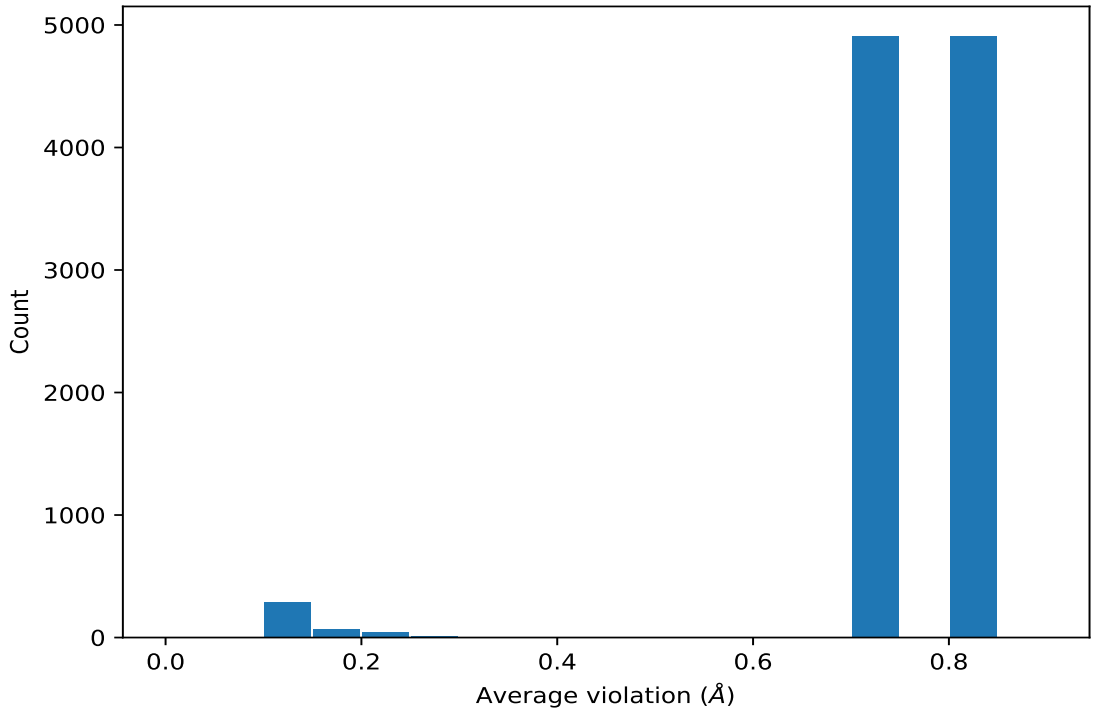
9.3.1 Bar graph : Distance violation statistics for the ensemble (i)



9.4 Most violated distance restraints in the ensemble (i)

9.4.1 Histogram : Distribution of mean distance violations (i)

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models in the ensemble



9.4.2 Table: Most violated distance restraints (i)

The following table provides the mean and the standard deviation of the violations for the 10 worst performing restraints, sorted by number of violated models and the mean violation value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:SD	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:NZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:H	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:SG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HB	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:OG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:NZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:NZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CG	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HH	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:OH	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HH	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:OH	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:O	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:OG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:SD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:OG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HA	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:C	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:ND2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:OG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:NZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:ND2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:NZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:OG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:H	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:ND2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAC	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAF	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAH	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAI	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAJ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAK	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAL	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAM	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAN	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAS	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAT	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAV	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAW	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAX	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAY	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HA0	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAL	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAM	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAN	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAQ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAS	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAT	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAU	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAV	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAY	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBC	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBF	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:OAO	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:SD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:NZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:O	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:SG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:N	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:H	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:OG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:C	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:NZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:NZ	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:C	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HH	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:OH	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HH	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:OH	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:OG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:SD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HA	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:OG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:ND2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:OG1	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HA	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:NZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:NE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:ND2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:ND1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:NE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CG	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:NZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB2	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:OG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:C	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:OG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HZ	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB3	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:ND2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:OD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:O	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:C	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CD1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG1	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG2	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:H	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD11	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG12	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG13	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG21	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG22	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG23	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:N	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:O	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAC	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAF	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAG	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAH	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAI	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAJ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAK	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAL	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAM	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAN	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAS	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAT	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAV	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAW	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAX	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAY	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HA0	20	0.85	0.0	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAL	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAM	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAN	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAQ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAS	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAT	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAU	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAV	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAY	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAZ	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBA	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBB	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBC	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBD	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBE	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBF	20	0.85	0.0	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:OAO	20	0.85	0.0	0.85
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:CE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:1:MET:SD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:2:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:2:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:2:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:2:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:2:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:2:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:2:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:2:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:2:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:2:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:2:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:2:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:2:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:2:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:3:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:4:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:5:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:6:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:6:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:6:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:6:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:6:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:6:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:6:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:6:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:6:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:6:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:6:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:6:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:6:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:6:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:7:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:7:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:7:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:7:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:7:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:7:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:7:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:7:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:7:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:7:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:7:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:7:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:8:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:9:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:CE	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HZ1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:NZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:10:LYS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:11:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:11:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:11:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:11:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:11:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:11:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:11:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:11:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:11:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:11:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:11:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:12:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:13:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:14:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:15:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:15:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:15:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:15:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:15:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:15:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:15:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:15:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:15:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:15:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:16:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:16:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:16:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:16:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:16:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:16:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:16:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:16:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:16:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:16:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:17:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:17:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:17:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:17:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:17:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:17:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:17:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:17:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:17:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:17:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:17:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:18:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:19:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:20:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:21:CYS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:21:CYS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:21:CYS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:21:CYS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:21:CYS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:21:CYS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:21:CYS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:21:CYS:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:21:CYS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:21:CYS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:21:CYS:SG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:C	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:22:PHE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:23:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:24:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:25:PHE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:26:THR:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:26:THR:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:26:THR:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:26:THR:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:26:THR:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:26:THR:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:26:THR:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:26:THR:HG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:26:THR:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:26:THR:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:26:THR:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:26:THR:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:26:THR:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:26:THR:OG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:27:SER:C	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:27:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:27:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:27:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:27:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:27:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:27:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:27:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:27:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:27:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:27:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:28:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:29:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:29:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:29:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:29:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:29:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:29:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:29:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:29:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:29:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:29:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:29:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:29:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:29:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:29:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:30:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:30:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:30:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:30:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:30:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:30:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:30:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:30:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:30:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:30:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:31:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:31:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:31:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:31:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:31:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:31:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:31:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:31:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:31:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:31:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:31:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:31:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:32:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:33:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:34:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:34:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:34:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:34:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:34:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:34:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:34:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:34:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:34:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:34:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:34:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:34:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:34:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:34:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:35:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:35:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:35:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:35:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:35:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:35:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:35:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:35:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:35:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:35:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:35:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:35:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:35:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:35:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:36:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:36:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:36:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:36:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:36:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:36:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:36:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:36:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:36:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:36:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:36:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:37:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:38:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:39:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:40:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:CE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HZ1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:NZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:41:LYS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:CD	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:CE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HZ1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:NZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:42:LYS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:43:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:44:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:45:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:45:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:45:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:45:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:45:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:45:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:45:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:45:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:45:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:45:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:46:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:46:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:46:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:46:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:46:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:46:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:46:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:47:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:48:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:48:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:48:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:48:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:48:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:48:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:48:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:48:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:48:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:48:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:49:PHE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:50:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:51:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:51:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:51:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:51:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:51:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:51:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:51:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:51:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:51:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:51:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:51:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:51:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:51:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:51:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HE1	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:52:PHE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:53:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:54:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:54:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:54:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:54:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:54:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:54:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:54:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:55:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:55:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:55:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:55:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:55:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:55:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:55:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:56:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HH	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:57:TYR:OH	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CD2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HH	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:58:TYR:OH	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:59:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:60:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:61:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:61:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:61:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:61:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:61:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:61:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:61:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:61:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:61:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:61:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:61:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:61:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:62:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:63:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:63:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:63:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:63:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:63:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:63:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:63:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:63:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:63:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:63:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:63:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:63:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:64:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:64:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:64:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:64:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:64:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:64:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:64:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:65:THR:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:65:THR:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:65:THR:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:65:THR:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:65:THR:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:65:THR:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:65:THR:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:65:THR:HG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:65:THR:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:65:THR:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:65:THR:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:65:THR:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:65:THR:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:65:THR:OG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:66:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:67:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:68:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:69:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:70:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:70:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:70:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:70:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:70:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:70:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:70:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:71:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:72:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:73:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:74:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:75:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:76:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:76:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:76:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:76:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:76:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:76:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:76:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:76:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:76:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:76:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:76:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:76:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:77:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:77:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:77:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:77:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:77:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:77:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:77:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:77:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:77:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:77:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:77:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:77:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:77:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:77:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:78:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:78:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:78:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:78:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:78:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:78:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:78:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:78:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:78:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:78:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:78:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:78:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:78:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:78:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:79:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:80:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:81:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:82:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:82:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:82:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:82:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:82:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:82:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:82:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:82:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:82:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:82:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:CE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:H	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:83:MET:SD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:84:THR:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:84:THR:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:84:THR:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:84:THR:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:84:THR:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:84:THR:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:84:THR:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:84:THR:HG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:84:THR:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:84:THR:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:84:THR:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:84:THR:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:84:THR:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:84:THR:OG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:85:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:86:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:87:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:88:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:88:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:88:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:88:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:88:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:88:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:88:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:88:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:88:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:88:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:88:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:88:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:89:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:89:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:89:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:89:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:89:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:89:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:89:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:90:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:91:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:HE21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:HE22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:NE2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:92:GLN:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:93:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:93:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:93:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:93:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:93:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:93:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:93:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:93:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:93:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:93:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:93:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:94:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:95:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:95:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:95:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:95:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:95:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:95:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:95:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:95:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:95:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:95:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:95:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:95:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:95:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:95:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:96:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:96:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:96:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:96:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:96:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:96:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:96:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:96:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:96:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:96:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:96:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:96:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:97:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:97:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:97:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:97:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:97:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:97:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:97:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:97:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:97:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:97:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:97:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:97:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:98:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:98:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:98:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:98:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:98:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:98:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:98:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:98:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:98:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:98:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:98:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:98:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:99:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:100:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:100:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:100:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:100:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:100:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:100:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:100:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:100:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:100:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:100:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:101:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:101:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:101:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:101:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:101:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:101:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:101:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:101:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:101:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:101:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:101:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:102:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:103:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:104:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:105:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:106:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:106:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:106:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:106:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:106:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:106:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:106:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:106:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:106:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:106:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:106:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:106:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CZ	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:107:PHE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:108:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:109:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:109:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:109:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:109:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:109:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:109:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:109:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:109:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:109:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:109:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:109:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:109:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:109:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:109:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:110:ASN:C	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:110:ASN:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:110:ASN:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:110:ASN:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:110:ASN:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:110:ASN:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:110:ASN:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:110:ASN:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:110:ASN:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:110:ASN:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:110:ASN:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:110:ASN:ND2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:110:ASN:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:110:ASN:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:111:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:111:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:111:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:111:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:111:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:111:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:111:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:112:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:112:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:112:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:112:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:112:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:112:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:112:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:112:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:112:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:112:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:112:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:113:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:113:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:113:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:113:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:113:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:113:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:113:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:114:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:114:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:114:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:114:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:114:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:114:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:114:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:115:THR:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:115:THR:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:115:THR:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:115:THR:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:115:THR:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:115:THR:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:115:THR:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:115:THR:HG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:115:THR:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:115:THR:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:115:THR:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:115:THR:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:115:THR:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:115:THR:OG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:116:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:117:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:118:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:119:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:120:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:120:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:120:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:120:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:120:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:120:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:120:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:120:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:120:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:120:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:121:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:122:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:CE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HZ1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:NZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:123:LYS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:124:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:125:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:126:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:127:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:128:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:128:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:128:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:128:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:128:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:128:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:128:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:129:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:129:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:129:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:129:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:129:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:129:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:129:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:129:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:129:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:129:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:129:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:129:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:130:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:130:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:130:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:130:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:130:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:130:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:130:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:131:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:131:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:131:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:131:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:131:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:131:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:131:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:131:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:131:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:131:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:132:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:133:ASN:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:133:ASN:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:133:ASN:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:133:ASN:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:133:ASN:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:133:ASN:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:133:ASN:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:133:ASN:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:133:ASN:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:133:ASN:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:133:ASN:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:133:ASN:ND2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:133:ASN:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:133:ASN:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:134:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:135:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:CE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HZ1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:NZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:136:LYS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:137:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:137:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:137:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:137:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:137:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:137:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:137:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:137:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:137:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:137:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:138:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:139:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:139:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:139:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:139:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:139:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:139:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:139:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:139:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:139:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:139:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:139:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:139:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:140:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:140:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:140:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:140:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:140:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:140:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:140:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:141:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:141:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:141:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:141:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:141:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:141:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:141:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:141:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:141:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:141:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:141:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:141:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:141:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:141:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:142:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:142:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:142:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:142:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:142:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:142:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:142:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:142:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:142:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:142:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:142:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:143:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:143:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:143:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:143:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:143:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:143:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:143:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:143:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:143:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:143:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:143:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:143:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:143:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:143:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:144:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:144:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:144:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:144:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:144:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:144:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:144:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:145:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:146:THR:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:146:THR:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:146:THR:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:146:THR:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:146:THR:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:146:THR:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:146:THR:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:146:THR:HG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:146:THR:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:146:THR:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:146:THR:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:146:THR:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:146:THR:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:146:THR:OG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:147:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:148:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:148:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:148:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:148:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:148:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:148:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:148:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:148:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:148:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:148:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:149:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:C	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:150:PHE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:151:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:151:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:151:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:151:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:151:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:151:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:151:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:151:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:151:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:151:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:152:ASN:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:152:ASN:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:152:ASN:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:152:ASN:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:152:ASN:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:152:ASN:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:152:ASN:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:152:ASN:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:152:ASN:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:152:ASN:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:152:ASN:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:152:ASN:ND2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:152:ASN:O	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:152:ASN:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:153:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	1:A:154:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAC	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAF	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAG	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAH	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAI	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAJ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAK	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAL	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAM	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAN	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAS	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAT	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAV	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAW	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAX	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CAY	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CBA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:CBB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HA0	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HAE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HAL	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HAM	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HAN	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HAQ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HAS	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HAT	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HAU	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HAV	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HAY	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HAZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HBA	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HBB	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HBC	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HBD	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HBE	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:HBF	20	0.74	0.0	0.74
(1,441)	1:A:22:PHE:HZ	2:A:201:969:OAO	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:CE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:HB2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:1:MET:SD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:2:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:2:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:2:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:2:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:2:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:2:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:2:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:2:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:2:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:2:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:2:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:2:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:2:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:2:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:3:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:4:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:5:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:6:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:6:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:6:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:6:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:6:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:6:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:6:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:6:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:6:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:6:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:6:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:6:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:6:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:6:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:7:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:7:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:7:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:7:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:7:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:7:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:7:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:7:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:7:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:7:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:7:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:7:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:8:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:9:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:CE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HZ1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:NZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:10:LYS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:11:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:11:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:11:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:11:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:11:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:11:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:11:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:11:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:11:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:11:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:11:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:12:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:13:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:14:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:15:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:15:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:15:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:15:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:15:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:15:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:15:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:15:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:15:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:15:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:16:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:16:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:16:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:16:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:16:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:16:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:16:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:16:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:16:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:16:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:17:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:17:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:17:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:17:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:17:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:17:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:17:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:17:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:17:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:17:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:17:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:18:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:19:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:20:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:21:CYS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:21:CYS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:21:CYS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:21:CYS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:21:CYS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:21:CYS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:21:CYS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:21:CYS:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:21:CYS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:21:CYS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:21:CYS:SG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:HZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:22:PHE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:23:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:24:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HD2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:HZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:25:PHE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:26:THR:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:26:THR:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:26:THR:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:26:THR:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:26:THR:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:26:THR:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:26:THR:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:26:THR:HG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:26:THR:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:26:THR:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:26:THR:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:26:THR:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:26:THR:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:26:THR:OG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:27:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:27:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:27:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:27:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:27:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:27:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:27:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:27:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:27:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:27:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:27:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:28:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:29:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:29:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:29:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:29:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:29:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:29:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:29:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:29:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:29:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:29:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:29:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:29:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:29:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:29:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:30:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:30:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:30:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:30:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:30:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:30:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:30:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:30:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:30:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:30:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:31:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:31:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:31:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:31:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:31:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:31:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:31:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:31:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:31:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:31:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:31:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:31:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:32:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:33:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:34:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:34:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:34:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:34:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:34:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:34:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:34:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:34:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:34:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:34:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:34:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:34:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:34:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:34:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:35:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:35:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:35:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:35:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:35:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:35:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:35:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:35:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:35:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:35:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:35:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:35:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:35:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:35:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:36:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:36:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:36:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:36:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:36:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:36:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:36:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:36:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:36:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:36:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:36:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:37:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:38:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:39:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:40:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:CE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:CG	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HZ1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:NZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:41:LYS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:CE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HZ1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:NZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:42:LYS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:43:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:44:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:45:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:45:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:45:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:45:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:45:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:45:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:45:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:45:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:45:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:45:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:46:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:46:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:46:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:46:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:46:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:46:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:46:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:47:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:48:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:48:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:48:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:48:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:48:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:48:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:48:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:48:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:48:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:48:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CB	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:HZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:49:PHE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:50:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:51:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:51:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:51:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:51:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:51:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:51:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:51:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:51:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:51:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:51:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:51:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:51:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:51:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:51:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:HZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:52:PHE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:53:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:54:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:54:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:54:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:54:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:54:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:54:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:54:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:55:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:55:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:55:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:55:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:55:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:55:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:55:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:56:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CE1	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:HH	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:57:TYR:OH	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:HH	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:58:TYR:OH	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:59:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:60:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:61:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:61:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:61:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:61:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:61:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:61:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:61:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:61:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:61:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:61:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:61:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:61:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:62:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:63:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:63:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:63:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:63:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:63:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:63:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:63:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:63:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:63:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:63:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:63:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:63:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:64:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:64:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:64:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:64:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:64:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:64:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:64:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:65:THR:C	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:65:THR:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:65:THR:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:65:THR:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:65:THR:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:65:THR:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:65:THR:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:65:THR:HG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:65:THR:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:65:THR:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:65:THR:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:65:THR:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:65:THR:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:65:THR:OG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:66:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:67:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:68:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:69:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:70:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:70:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:70:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:70:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:70:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:70:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:70:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:71:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:72:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:73:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:74:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:75:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:76:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:76:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:76:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:76:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:76:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:76:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:76:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:76:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:76:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:76:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:76:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:76:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:77:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:77:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:77:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:77:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:77:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:77:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:77:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:77:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:77:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:77:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:77:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:77:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:77:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:77:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:78:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:78:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:78:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:78:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:78:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:78:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:78:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:78:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:78:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:78:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:78:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:78:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:78:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:78:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:79:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:80:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:81:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:82:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:82:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:82:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:82:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:82:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:82:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:82:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:82:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:82:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:82:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:CE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:83:MET:SD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:84:THR:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:84:THR:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:84:THR:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:84:THR:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:84:THR:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:84:THR:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:84:THR:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:84:THR:HG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:84:THR:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:84:THR:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:84:THR:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:84:THR:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:84:THR:O	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:84:THR:OG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:85:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:86:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:87:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:88:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:88:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:88:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:88:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:88:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:88:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:88:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:88:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:88:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:88:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:88:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:88:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:89:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:89:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:89:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:89:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:89:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:89:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:89:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:90:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:91:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:HE21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:HE22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:92:GLN:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:93:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:93:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:93:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:93:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:93:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:93:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:93:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:93:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:93:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:93:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:93:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:94:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:95:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:95:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:95:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:95:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:95:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:95:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:95:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:95:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:95:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:95:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:95:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:95:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:95:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:95:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:96:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:96:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:96:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:96:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:96:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:96:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:96:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:96:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:96:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:96:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:96:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:96:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:97:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:97:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:97:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:97:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:97:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:97:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:97:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:97:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:97:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:97:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:97:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:97:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:98:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:98:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:98:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:98:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:98:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:98:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:98:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:98:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:98:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:98:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:98:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:98:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:99:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:100:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:100:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:100:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:100:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:100:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:100:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:100:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:100:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:100:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:100:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:101:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:101:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:101:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:101:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:101:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:101:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:101:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:101:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:101:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:101:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:101:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:102:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:103:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:104:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:105:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:106:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:106:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:106:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:106:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:106:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:106:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:106:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:106:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:106:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:106:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:106:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:106:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:HZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:107:PHE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:108:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:109:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:109:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:109:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:109:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:109:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:109:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:109:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:109:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:109:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:109:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:109:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:109:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:109:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:109:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:110:ASN:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:110:ASN:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:110:ASN:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:110:ASN:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:110:ASN:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:110:ASN:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:110:ASN:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:110:ASN:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:110:ASN:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:110:ASN:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:110:ASN:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:110:ASN:ND2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:110:ASN:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:110:ASN:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:111:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:111:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:111:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:111:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:111:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:111:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:111:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:112:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:112:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:112:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:112:SER:H	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:112:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:112:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:112:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:112:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:112:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:112:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:112:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:113:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:113:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:113:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:113:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:113:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:113:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:113:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:114:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:114:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:114:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:114:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:114:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:114:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:114:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:115:THR:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:115:THR:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:115:THR:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:115:THR:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:115:THR:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:115:THR:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:115:THR:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:115:THR:HG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:115:THR:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:115:THR:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:115:THR:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:115:THR:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:115:THR:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:115:THR:OG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:116:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:117:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:118:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:119:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:120:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:120:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:120:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:120:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:120:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:120:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:120:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:120:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:120:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:120:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:121:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:122:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:CE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HG2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HZ1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:NZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:123:LYS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:124:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:125:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:126:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:127:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:128:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:128:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:128:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:128:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:128:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:128:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:128:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:129:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:129:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:129:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:129:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:129:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:129:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:129:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:129:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:129:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:129:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:129:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:129:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:130:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:130:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:130:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:130:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:130:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:130:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:130:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:131:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:131:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:131:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:131:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:131:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:131:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:131:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:131:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:131:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:131:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CD1	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:CZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:NE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:132:TRP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:133:ASN:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:133:ASN:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:133:ASN:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:133:ASN:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:133:ASN:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:133:ASN:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:133:ASN:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:133:ASN:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:133:ASN:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:133:ASN:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:133:ASN:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:133:ASN:ND2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:133:ASN:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:133:ASN:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:134:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:ND1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:NE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:135:HIS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:CE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HE2	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HE3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HZ1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HZ2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:HZ3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:NZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:136:LYS:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:137:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:137:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:137:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:137:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:137:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:137:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:137:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:137:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:137:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:137:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:138:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:139:ASP:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:139:ASP:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:139:ASP:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:139:ASP:CG	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:139:ASP:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:139:ASP:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:139:ASP:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:139:ASP:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:139:ASP:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:139:ASP:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:139:ASP:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:139:ASP:OD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:140:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:140:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:140:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:140:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:140:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:140:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:140:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:141:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:141:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:141:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:141:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:141:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:141:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:141:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:141:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:141:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:141:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:141:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:141:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:141:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:141:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:142:SER:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:142:SER:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:142:SER:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:142:SER:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:142:SER:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:142:SER:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:142:SER:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:142:SER:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:142:SER:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:142:SER:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:142:SER:OG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:143:PRO:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:143:PRO:CA	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:143:PRO:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:143:PRO:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:143:PRO:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:143:PRO:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:143:PRO:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:143:PRO:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:143:PRO:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:143:PRO:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:143:PRO:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:143:PRO:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:143:PRO:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:143:PRO:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:144:GLY:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:144:GLY:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:144:GLY:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:144:GLY:HA2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:144:GLY:HA3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:144:GLY:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:144:GLY:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:OE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:145:GLU:OE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:146:THR:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:146:THR:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:146:THR:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:146:THR:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:146:THR:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:146:THR:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:146:THR:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:146:THR:HG1	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:146:THR:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:146:THR:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:146:THR:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:146:THR:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:146:THR:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:146:THR:OG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HD23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:HG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:147:LEU:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:148:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:148:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:148:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:148:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:148:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:148:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:148:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:148:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:148:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:148:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:CD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:H	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HD3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HG3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HH11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HH12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HH21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:HH22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:NE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:NH1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:NH2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:149:ARG:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:CZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HD2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HE1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:HE2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:150:PHE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:151:ALA:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:151:ALA:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:151:ALA:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:151:ALA:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:151:ALA:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:151:ALA:HB1	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:151:ALA:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:151:ALA:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:151:ALA:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:151:ALA:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:152:ASN:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:152:ASN:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:152:ASN:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:152:ASN:CG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:152:ASN:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:152:ASN:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:152:ASN:HB2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:152:ASN:HB3	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:152:ASN:HD21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:152:ASN:HD22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:152:ASN:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:152:ASN:ND2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:152:ASN:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:152:ASN:OD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HG11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:153:VAL:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:C	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:CA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:CB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:CD1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:CG1	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:CG2	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:H	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HA	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HD11	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HD12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HD13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HG12	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HG13	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HG21	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HG22	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:HG23	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:N	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	1:A:154:ILE:O	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAC	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAF	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAG	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAH	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAI	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAJ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAK	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAL	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAM	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAN	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAS	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAT	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAV	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAW	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAX	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CAY	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CBA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:CBB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HA0	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HAE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HAL	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HAM	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HAN	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HAQ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HAS	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HAT	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HAU	20	0.74	0.0	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

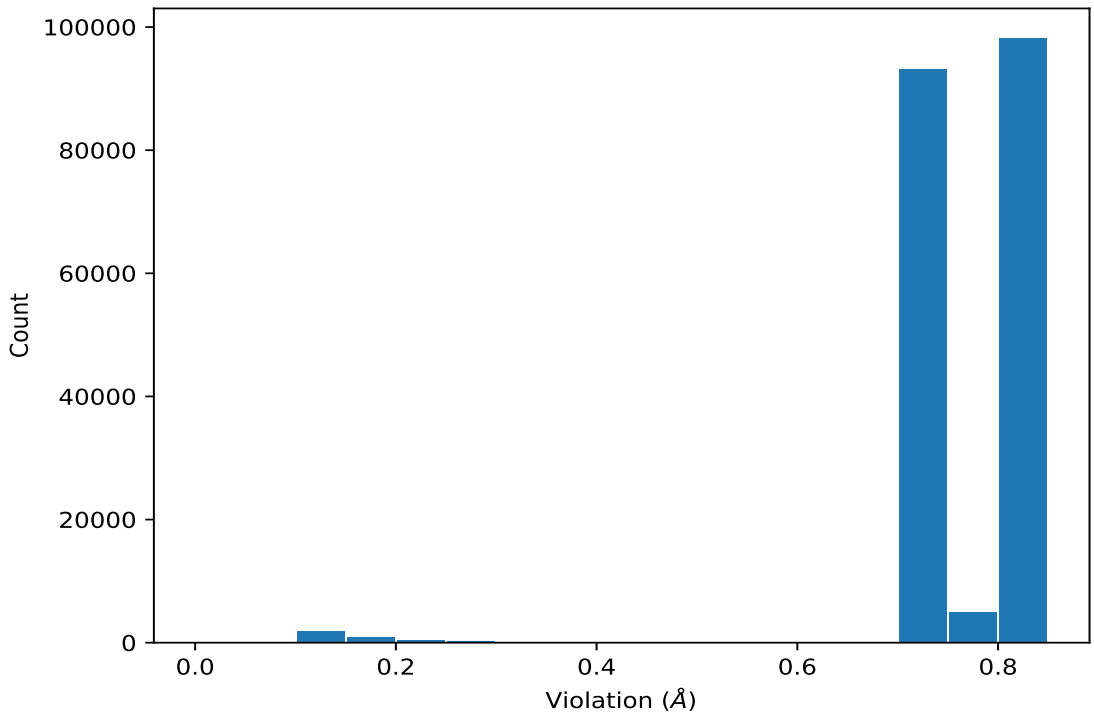
Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HAV	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HAY	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HAZ	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HBA	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HBB	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HBC	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HBD	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HBE	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:HBF	20	0.74	0.0	0.74
(1,2904)	1:A:150:PHE:HZ	2:A:201:969:OAO	20	0.74	0.0	0.74
(1,57)	1:A:5:ILE:HG21	1:A:5:ILE:HG12	20	0.28	0.0	0.28
(1,57)	1:A:5:ILE:HG22	1:A:5:ILE:HG12	20	0.28	0.0	0.28
(1,57)	1:A:5:ILE:HG23	1:A:5:ILE:HG12	20	0.28	0.0	0.28
(1,51)	1:A:5:ILE:HB	1:A:5:ILE:HD11	20	0.26	0.01	0.26
(1,51)	1:A:5:ILE:HB	1:A:5:ILE:HD12	20	0.26	0.01	0.26
(1,51)	1:A:5:ILE:HB	1:A:5:ILE:HD13	20	0.26	0.01	0.26
(1,473)	1:A:24:VAL:H	1:A:24:VAL:HG11	20	0.24	0.01	0.24
(1,473)	1:A:24:VAL:H	1:A:24:VAL:HG12	20	0.24	0.01	0.24
(1,473)	1:A:24:VAL:H	1:A:24:VAL:HG13	20	0.24	0.01	0.24
(1,2545)	1:A:134:ILE:H	1:A:134:ILE:HG21	20	0.23	0.01	0.24
(1,2545)	1:A:134:ILE:H	1:A:134:ILE:HG22	20	0.23	0.01	0.24
(1,2545)	1:A:134:ILE:H	1:A:134:ILE:HG23	20	0.23	0.01	0.24
(1,931)	1:A:52:PHE:HZ	1:A:26:THR:HG21	20	0.23	0.05	0.23
(1,931)	1:A:52:PHE:HZ	1:A:26:THR:HG22	20	0.23	0.05	0.23
(1,931)	1:A:52:PHE:HZ	1:A:26:THR:HG23	20	0.23	0.05	0.23
(1,3001)	1:A:154:ILE:H	1:A:154:ILE:HG21	20	0.22	0.01	0.22
(1,3001)	1:A:154:ILE:H	1:A:154:ILE:HG22	20	0.22	0.01	0.22
(1,3001)	1:A:154:ILE:H	1:A:154:ILE:HG23	20	0.22	0.01	0.22
(1,1967)	1:A:107:PHE:H	1:A:107:PHE:HB3	20	0.21	0.02	0.21

[1]Number of violated models, [2]Standard deviation

9.5 All violated distance restraints (i)

9.5.1 Histogram : Distribution of distance violations (i)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



9.5.2 Table : All distance violations (i)

The following table provides the 10 worst performing restraints, sorted by the violation value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:SD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:C	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE1	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB3	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH1	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:NZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:C	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG21	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:SG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG1	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:OG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:C	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE3	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:C	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CD2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD12	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ3	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:NZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:NZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CB	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE1	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CZ	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:C	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HH	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:N	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:OH	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HH	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:OH	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD1	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD11	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:OG1	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HB	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CB	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CG	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:O	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB3	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:N	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:SD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:OG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CD1	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:O	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CB	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB3	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:ND2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:OG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH21	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:O	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:NZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD1	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB3	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:ND2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:O	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:NZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:H	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:N	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:OG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH21	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:ND2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:N	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAC	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAF	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAH	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAI	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAJ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAK	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAL	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAM	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAN	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAS	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAT	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAV	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAW	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAX	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAY	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HA0	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAL	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAM	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAN	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAQ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAS	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAT	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAU	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAV	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAY	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBC	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBF	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:OAO	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:SD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:N	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CG	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CG	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:NZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:C	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:O	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CG	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:SG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:O	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:OG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CG	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG3	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG13	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:NZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:NZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:O	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CB	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:N	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG23	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HH	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:OH	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HH	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:OH	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:H	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:OG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD11	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE1	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CD1	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:H	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:N	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD1	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD11	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:SD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HB	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:OG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:O	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB3	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:H	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG1	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG22	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:ND2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA3	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:OG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:C	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CB	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:C	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB2	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:NZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB3	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB3	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB3	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:NE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:ND2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:ND1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:NE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:H	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:NZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HG	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB3	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:OG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CA	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:OG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:C	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:N	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB3	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:ND2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:OD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:C	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:C	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CD1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG1	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG2	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:H	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD11	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG12	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG13	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG21	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG22	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG23	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:N	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:O	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAC	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAF	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAG	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAH	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAI	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAJ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAK	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAL	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAM	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAN	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAS	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAT	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAV	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAW	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAX	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAY	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HA0	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAE	1	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAL	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAM	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAN	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAQ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAS	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAT	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAU	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAV	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAY	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAZ	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBA	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBB	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBC	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBD	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBE	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBF	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:OAO	1	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:SD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:H	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG1	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CG	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:NZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:N	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:N	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CD	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:SG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CA	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG12	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:OG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CA	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB3	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:NE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:NE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:C	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:NZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CE	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:NZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB3	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD11	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CD	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HH	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:OH	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE1	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HH	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:OH	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:H	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:NE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:N	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:OG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:O	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:NE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HD1	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:NE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB3	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH21	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HA	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:SD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:OG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE3	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:NE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD13	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:ND1	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:NE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:O	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:O	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CZ	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CB	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG3	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:H	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CA	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:ND2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA3	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:OG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CA	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD13	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HB	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:NZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD12	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH12	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:O	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:NE1	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:ND2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HA	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:NZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:O	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CD	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:O	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:OG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD13	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CA	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:ND2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:OD1	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAC	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAF	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAG	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAH	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAI	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAJ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAK	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAL	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAM	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAN	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAS	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAT	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAV	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAW	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAX	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAY	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HA0	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAL	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAM	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAN	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAQ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAS	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAT	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAU	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAV	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAY	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBC	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBF	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:OAO	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB3	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:SD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CG	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:N	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HE	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:NZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:N	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HB	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CB	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:SG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:N	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:OG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH11	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:O	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:NE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HD1	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:NE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CB	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB3	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:NZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:NZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:C	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:O	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:N	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:H	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HH	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:OH	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HH	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:OH	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:NE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:C	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:H	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:OG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:N	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:NE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:C	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD13	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE1	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:NE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CG	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:C	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:O	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:SD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:OG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:C	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:NE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH22	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:N	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:NE1	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG22	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:C	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG12	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:H	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:N	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:ND2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:OG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG3	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ1	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:NZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:O	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:O	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:NE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:ND2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD11	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:ND1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:NE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:NZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HA	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:OG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CD	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG22	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:OG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB2	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB3	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:ND2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:OD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:C	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CD1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG1	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG2	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:H	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HB	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD11	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG12	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG13	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG21	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG22	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG23	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:N	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:O	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAC	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAF	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAG	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAH	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAI	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAJ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAK	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAL	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAM	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAN	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAS	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAT	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAV	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAW	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAX	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAY	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HA0	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAL	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAM	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAN	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAQ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAS	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAT	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAU	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAV	2	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAY	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAZ	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBA	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBB	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBC	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBD	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBE	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBF	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:OAO	2	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:SD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CB	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG21	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG21	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE3	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:NZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:N	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:SG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:H	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:OG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:O	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CB	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:NE1	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CB	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG11	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:NZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:NZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH21	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:O	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:N	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH12	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HH	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:OH	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD1	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HH	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:OH	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:OG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:C	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CG	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH22	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD23	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:O	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:N	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:SD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:OG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:C	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB3	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB3	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG3	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG1	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HZ	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD22	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:ND2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:OG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG12	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:O	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:NZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:C	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:C	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:N	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:ND2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:ND1	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:NZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG3	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:OG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:H	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:ND2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HB	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAC	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAF	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAH	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAI	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAJ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAK	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAL	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAM	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAN	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAS	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAT	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAV	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAW	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAX	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAY	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HA0	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAL	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAM	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAN	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAQ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAS	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAT	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAU	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAV	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAY	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBC	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBF	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:OAO	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:SD	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:O	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NE	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:NZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:H	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:O	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG13	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:H	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:SG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:C	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HB	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:OG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:O	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:O	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CB	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD11	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:NZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:NZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:C	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CG	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:O	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HH	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:OH	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HH	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:OH	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CB	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HB	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:O	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:OG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:C	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE3	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:N	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB3	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:SD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:OG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CH2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CB	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:H	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CG	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:N	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:C	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:ND2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:H	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:OG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH12	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD1	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:NE2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:NZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CB	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:C	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB2	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:NE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:ND2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:N	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:ND1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:NE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:NZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:C	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:CA	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:OG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG3	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:OG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD1	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH12	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:H	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB3	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:ND2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:OD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG23	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:C	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CD1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG1	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG2	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:H	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD11	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG12	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG13	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG21	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG22	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG23	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:N	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:O	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAC	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAF	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAG	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAH	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAI	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAJ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAK	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAL	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAM	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAN	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAS	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAT	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAV	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAW	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAX	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAY	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HA0	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAL	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAM	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAN	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAQ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAS	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAT	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAU	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAV	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAY	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAZ	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBA	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBB	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBC	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBD	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBE	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBF	3	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:OAO	3	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:SD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CD	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CD	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:NZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:O	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:N	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HA	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CE1	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:SG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:N	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:H	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:OG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:H	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:C	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG12	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:C	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:NZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:NZ	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CA	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CG	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG22	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:C	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HH	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:OH	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HH	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:OH	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:C	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CG	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:H	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:OG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HB	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HD1	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CB	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CG	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:SD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HA	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:OG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:N	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG1	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CG	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH1	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CD1	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG21	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:H	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:ND2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:OG1	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CA	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:O	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HA	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:NZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:ND2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:C	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CG	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:NZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD23	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:C	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:OG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:O	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HZ	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:ND2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:O	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAC	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAF	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAH	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAI	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAJ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAK	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAL	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAM	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAN	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAS	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAT	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAV	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAW	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAX	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAY	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HA0	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAL	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAM	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAN	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAQ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAS	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAT	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAU	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAV	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAY	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBC	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBF	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:OAO	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:SD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CB	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CE	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:NZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG23	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CB	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:SG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:C	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG11	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:OG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:C	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD1	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:O	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:NZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CD	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:NZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CB	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE1	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HA	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HH	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:OH	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HH	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:OH	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG23	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:OG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HA	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:N	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB3	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH12	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:H	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:SD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:OG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE1	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD12	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:N	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:NE2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:N	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CG	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CA	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CZ	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:C	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:ND2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA2	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:OG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:C	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD12	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HA	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:NZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD11	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH11	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:N	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:N	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:NE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:ND2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:H	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:ND1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:NE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:NZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:N	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CB	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:OG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:N	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:OG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD12	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:C	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB3	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:ND2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:O	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:OD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:C	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CD1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG1	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG2	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:H	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD11	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG12	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG13	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG21	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG22	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG23	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:N	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:O	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAC	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAF	4	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAG	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAH	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAI	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAJ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAK	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAL	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAM	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAN	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAS	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAT	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAV	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAW	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAX	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAY	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HA0	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAL	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAM	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAN	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAQ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAS	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAT	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAU	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAV	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAY	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAZ	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBA	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBB	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBC	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBD	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBE	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBF	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:OAO	4	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:SD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CD	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:NZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HG	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE1	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:SG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HZ	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:OG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:N	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:NZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:NZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:O	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE1	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:N	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CZ	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HH	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:OH	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HH	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:OH	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CG2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:OG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG23	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:O	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD12	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:O	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CD	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:O	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:N	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:SD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:OG1	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH21	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:N	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG21	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB1	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD13	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CG	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG23	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:ND2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:OG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:NZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:NE2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:NE2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:ND2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HB	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:NZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:H	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CB	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG21	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:OG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB1	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:ND2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAC	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAF	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAH	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAI	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAJ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAK	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAL	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAM	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAN	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAS	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAT	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAV	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAW	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAX	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAY	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HA0	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAL	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAM	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAN	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAQ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAS	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAT	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAU	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAV	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAY	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBC	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBF	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:OAO	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:SD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG13	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG13	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:NZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:H	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB1	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:SG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CZ	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:C	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:OG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:N	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:N	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:C	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HB	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:NZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:NZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH12	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:N	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG1	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH11	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HH	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:OH	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HH	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:OH	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HH2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:OG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH21	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD22	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:NE1	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:C	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:C	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:SD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:OG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:C	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:O	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HE	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CB	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD21	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:ND2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:H	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:OG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG11	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:C	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:N	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:NZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:O	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:O	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:NE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:ND2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:N	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:ND1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:NE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:NZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:H	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG2	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:OG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:OG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:C	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CZ	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB3	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:ND2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:OD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HA	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:C	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CD1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG1	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG2	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:H	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD11	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG12	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG13	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG21	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG22	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG23	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:N	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:O	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAC	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAF	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAG	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAH	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAI	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAJ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAK	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAL	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAM	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAN	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAS	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAT	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAV	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAW	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAX	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAY	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HA0	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAL	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAM	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAN	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAQ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAS	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAT	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAU	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAV	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAY	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAZ	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBA	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBB	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBC	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBD	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBE	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBF	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:OAO	5	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:O	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:SD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:N	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:N	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:NZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:N	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG12	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CB	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:SG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:OG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:NE1	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB3	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ1	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:NZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:NZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:C	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD1	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:N	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HH	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:OH	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HH	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:OH	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:N	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:OG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:H	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:C	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:O	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG3	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:SD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:OG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CG	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CG	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:H	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CD	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB3	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:H	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:C	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:ND2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:CA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:OG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH11	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CB	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:ND1	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:NZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:H	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:O	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:ND2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG23	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:NZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:O	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:C	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:OG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CB	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH11	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CG	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:ND2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG22	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAC	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAF	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAH	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAI	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAJ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAK	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAL	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAM	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAN	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAS	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAT	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAV	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAW	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAX	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAY	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HA0	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAL	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAM	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAN	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAQ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAS	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAT	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAU	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAV	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAY	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBC	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBE	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBF	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:OAO	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:SD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CB	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CB	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:NZ	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG23	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:H	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CD2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:SG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HZ	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CZ	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:OG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CZ	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:O	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD3	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG11	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:O	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:NZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:N	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:NZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:C	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CD	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG21	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:O	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HH	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:OH	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HH	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:OH	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CB	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:CA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:OG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB3	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CD	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:SD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:H	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:OG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB3	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CB	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CB	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NE	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CB	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG13	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:ND2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:H	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:O	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:OG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:C	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:N	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:H	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:NZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB1	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:NE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:ND2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:OD1	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:ND1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:NE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CE	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:NZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD22	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HA	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:OG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:OG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:N	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE2	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB3	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:ND2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:OD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:N	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:C	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CD1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG1	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG2	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:H	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD11	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG12	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG13	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG21	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG22	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG23	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:N	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:O	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAC	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAF	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAG	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAH	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAI	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAJ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAK	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAL	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAM	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAN	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAS	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAT	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAV	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAW	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAX	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAY	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBB	6	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HA0	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAL	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAM	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAN	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAQ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAS	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAT	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAU	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAV	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAY	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAZ	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBA	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBB	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBC	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBD	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBE	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBF	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:OAO	6	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:SD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG1	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CA	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CD	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:NZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG22	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CA	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:ND1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:SG	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HB	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:OG1	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HA	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB3	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:ND1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:N	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:NZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CB	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:NZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HA	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CA	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:H	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HH	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:OH	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD1	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HH	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:OH	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG22	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:OG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:H	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG23	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HA	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HA	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:ND1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH11	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CG	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:SD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:OG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HD1	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD11	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:ND1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:N	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG3	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CD	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:C	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB3	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CG	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:O	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:ND2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:H	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:OG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:O	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD11	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:ND1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:H	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:NZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB3	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:ND1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG3	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:ND1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB3	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ3	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:ND2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CG	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:ND1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:NZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB3	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CA	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA3	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:OG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD11	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:O	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:ND2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAC	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAE	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAF	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAH	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAI	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAJ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAK	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAL	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAM	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAN	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAS	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAT	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAV	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAW	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAX	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAY	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HA0	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAL	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAM	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAN	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAQ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAS	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAT	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAU	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAV	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAY	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBC	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBF	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:OAO	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HA	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:SD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CB	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:NZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB3	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:H	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:C	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:ND1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:SG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:H	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:OG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB3	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:H	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:ND1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:C	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HA	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:NZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:NZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:H	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:N	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG3	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CG	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HH	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:OH	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HH	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:OH	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD1	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CB	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:OG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG22	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:NE1	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD11	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:N	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CB	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:ND1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:NE2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HG	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:SD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:O	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:OG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH12	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:ND1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ3	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG13	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD1	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HA	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD12	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CB	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG22	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:ND2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:H	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:OG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:H	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB3	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:H	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:ND1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:NZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:ND1	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:ND1	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD1	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:NE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:ND2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HA	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:ND1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:NE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE2	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:NZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CG	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:OG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CA	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG1	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:OG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:H	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HA	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB3	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:ND2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:OD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:H	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:C	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CD1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG1	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG2	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:H	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD11	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG12	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG13	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG21	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG22	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG23	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:N	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:O	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAC	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAF	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAG	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAH	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAI	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAJ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAK	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAL	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAM	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAN	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAS	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAT	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAV	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAW	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAX	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAY	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HA0	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAL	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAM	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAN	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAQ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAS	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAT	7	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAU	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAV	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAY	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAZ	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBA	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBB	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBC	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBD	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBE	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBF	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:OAO	7	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:SD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:C	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG12	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG12	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:NZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HA	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:SG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CG	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:O	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:OG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HG	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:C	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:C	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:O	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HA	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:NZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:NZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH11	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HG	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CB	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HH	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:OH	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HH	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:OH	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:H	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:OG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE1	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH12	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD21	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:N	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:O	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:O	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:SD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:OG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:O	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:N	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD1	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HA	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HA	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CA	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE1	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:ND2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CG2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:OG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HB	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:O	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG23	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:NZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:N	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:H	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:ND2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:NZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CG	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:H	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:OG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:O	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CG	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:ND2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:H	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAC	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAF	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAH	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAI	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAJ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAK	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAL	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAM	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAN	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAS	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAT	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAV	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAW	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAX	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAY	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HA0	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAL	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAM	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAN	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAQ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAS	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAT	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAU	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAV	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAY	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBC	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBF	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:OAO	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:N	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:SD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:H	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH22	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:NZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG1	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG23	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG11	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CA	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:SG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE1	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:H	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:OG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH1	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD1	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:N	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:C	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:NZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:NZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE1	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:O	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE1	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE1	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HH	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:OH	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HH	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:OH	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:C	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:H	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG23	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:OG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:O	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:N	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:H	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB1	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:SD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:OG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:C	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CE1	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CG	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CB	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CB	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:O	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD1	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CG	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:ND2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:C	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:OG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CA	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:N	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:NZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:C	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CZ	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:N	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:H	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:NE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:ND2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG22	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:ND1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:NE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:NZ	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD2	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:OG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:OG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CA	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG3	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CB	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB3	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:ND2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:OD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG21	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:C	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CD1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG1	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG2	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:H	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD11	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG12	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG13	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG21	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG22	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG23	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:N	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:O	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAC	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAD	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAF	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAG	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAH	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAI	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAJ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAK	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAL	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAM	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAN	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAS	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAT	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAV	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAW	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAX	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAY	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HA0	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAL	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAM	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAN	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAQ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAS	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAT	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAU	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAV	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAY	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAZ	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBA	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBB	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBC	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBD	8	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBE	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBF	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:OAO	8	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:SD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:2:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HB3	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:3:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:4:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:5:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:6:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:7:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:8:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:9:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:N	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:NZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:10:LYS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:11:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:12:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG22	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:13:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:14:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:15:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:16:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:CB	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:17:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:18:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:19:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CB	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:20:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:21:CYS:SG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HE2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:HZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:22:PHE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:23:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:24:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CG	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:HZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:25:PHE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:26:THR:OG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:27:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CG	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:28:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:29:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:N	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:30:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:31:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:32:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CD2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:33:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:34:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:35:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:36:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:37:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HB	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:38:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:39:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:N	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:40:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:NZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:41:LYS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:HZ3	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:NZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:42:LYS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:43:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:44:ARG:O	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:45:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:46:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:47:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB1	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:48:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:HZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:49:PHE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:50:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CB	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:51:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:HZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:52:PHE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG13	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:53:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:54:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:55:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:NH2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:56:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:HH	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:57:TYR:OH	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:HH	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:O	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:58:TYR:OH	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:59:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:60:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:61:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:62:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:63:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:C	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:64:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:65:THR:OG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:66:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:H	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:67:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:68:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:69:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:70:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:71:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:C	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:72:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:73:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CB	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:74:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:75:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:76:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:77:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:78:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:79:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:80:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:81:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:82:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:83:MET:SD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:CG2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:84:THR:OG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:85:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:86:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:87:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:88:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:89:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:90:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:H	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:91:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HE22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:92:GLN:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:93:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:94:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:95:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:96:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:97:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:98:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:N	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:99:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:100:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:101:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:102:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:103:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:104:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG12	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:105:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:106:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:HZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:107:PHE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG1	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:108:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:109:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:ND2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:110:ASN:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:CA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:111:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:112:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:113:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:114:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:N	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:115:THR:OG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:116:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:117:VAL:O	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:118:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:119:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:HB3	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:120:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:121:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:122:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:CG	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:NZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:123:LYS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:124:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:H	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:125:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:126:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:H	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:127:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:128:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:129:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:130:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:131:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:132:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:ND2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:O	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:133:ASN:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:134:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:135:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CD	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:NZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:136:LYS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:137:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD21	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:138:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:139:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:140:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:141:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:H	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:142:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:143:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:144:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE1	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:145:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:146:THR:OG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:147:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:HB3	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:148:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:149:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE1	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:HZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:150:PHE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:151:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:ND2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:152:ASN:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:HG23	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:153:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:154:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAC	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAF	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAH	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAI	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAJ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAK	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAL	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAM	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAN	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAS	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAT	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAV	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAW	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAX	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CAY	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:CBB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HA0	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAL	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAM	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAN	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAQ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAS	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAT	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAU	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAV	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAY	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HAZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBC	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:HBF	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	2:A:201:969:OAO	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:1:MET:SD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:2:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:3:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:4:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CD1	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:5:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:6:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:7:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:C	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:8:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:9:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CB	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:NZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:10:LYS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:11:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG21	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:12:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:13:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:14:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB1	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:15:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:16:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:17:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:18:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:C	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:19:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:20:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:O	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:21:CYS:SG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:HZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:22:PHE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:23:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:24:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:HZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:25:PHE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:O	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:26:THR:OG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:27:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:28:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:29:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:30:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:31:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:H	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:32:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:33:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:34:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:35:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:36:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:37:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:38:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:HG	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:39:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:40:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:NZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:41:LYS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:NZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:42:LYS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:43:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:H	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:44:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:45:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:46:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:47:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:48:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:HZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:49:PHE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:C	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:50:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:51:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD1	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:HZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:52:PHE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:53:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:54:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:55:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:CZ	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:56:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:HH	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:57:TYR:OH	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CB	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:HH	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:58:TYR:OH	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:59:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CH2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:60:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:61:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG21	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:62:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:63:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:64:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:65:THR:OG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:CG	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:66:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:67:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG22	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:68:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:69:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:70:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:71:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:72:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:H	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:73:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:74:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:75:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:76:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:77:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:CG	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:78:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:79:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HG3	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:80:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:81:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:82:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CE	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:83:MET:SD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:84:THR:OG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HB3	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:85:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:86:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HB	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:87:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:88:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:89:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE1	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:90:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:91:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HE22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:HG3	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:92:GLN:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:93:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:94:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:95:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:96:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:97:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:98:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CB	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:99:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:100:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:101:SER:OG	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:102:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:103:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:104:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:105:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:106:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CE2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:HZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:107:PHE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:108:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:N	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:109:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:ND2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:110:ASN:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:111:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:112:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:113:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:CA	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:114:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:115:THR:OG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:NH2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:116:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:117:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:118:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HB3	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:119:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:120:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:121:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:CG2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:122:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:NZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:123:LYS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:124:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:125:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:NH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:126:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:127:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:128:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:129:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:130:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:131:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:CZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HH2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:NE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:132:TRP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:ND2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:133:ASN:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:134:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CE1	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:ND1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:NE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:135:HIS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HE3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:HZ3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:NZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:136:LYS:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:137:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:138:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:139:ASP:OD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:140:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:C	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:141:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:142:SER:OG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:143:PRO:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:HA3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:144:GLY:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:145:GLU:OE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:146:THR:OG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HB3	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HD23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:HG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:147:LEU:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:148:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HD3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HG3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:HH22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:NH2	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:149:ARG:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:CZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HD2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HE2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:HZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:150:PHE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:151:ALA:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:CG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HB3	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:HD22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:N	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:ND2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:152:ASN:OD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:153:VAL:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:C	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CD1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG1	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:CG2	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:H	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD11	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HD13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG12	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG13	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG21	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG22	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:HG23	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:N	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	1:A:154:ILE:O	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAC	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAD	9	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAF	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAG	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAH	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAI	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAJ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAK	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAL	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAM	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAN	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAS	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAT	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAV	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAW	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAX	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CAY	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:CBB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HA0	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAL	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAM	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAN	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAQ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAS	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAT	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAU	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAV	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAY	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HAZ	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBA	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBB	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBC	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBD	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBE	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:HBF	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE2	2:A:201:969:OAO	9	0.85
(1,437)	1:A:22:PHE:HE1	1:A:1:MET:C	10	0.85

10 Dihedral-angle violation analysis (i)

No dihedral-angle restraints found